

ปรับปรุงพันธุ์พืชผสมตัวเอง การผสมพันธุ์



ทำไมต้องมีการผสมพันธุ์

เนื่องจากพันธุ์ท้องถิ่นหรือพันธุ์พื้นเมืองที่ใช้เป็นประชากรพื้นฐาน ในการคัดเลือกพันธุ์บริสุทธิ์ หรือการคัดเลือกเป็นหมู่ มักจะมีข้อจำกัดคือ บ่อยครั้ง ไม่มีพันธุ์กรรมที่เราต้องการ ดังนั้นเพื่อสร้างพืชที่มีพันธุ์กรรมหรือ genotype ใหม่ ๆ จึงได้มีการผสมพันธุ์พืชเพื่อสร้างความแปรปรวนทางพันธุกรรมขึ้น

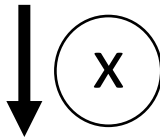


สมมุติให้ genotype ที่ต้องการคือ AABB แต่ในประชากรมี
แค่ genotype AAbb และ aaBB การจะได้มาซึ่งพันธุ์กรรม
ที่ต้องการจำเป็นจะต้องใช้การผสมพันธุ์

AAbb x aaBB



AaBb



AABB AABb AAbb AaBB AaBb
Aabb aaBB aaBb aabb



วิธีการคัดเลือกหลังผสมพันธุ์

- การคัดพันธุ์แบบบันทึกประวัติ Pedigree method
- การคัดเลือกพันธุ์แบบเก็บรวม Bulk method
- การคัดเลือกแบบหนึ่งเมล็ดต่อต้น Single seed descent

ทั้ง 3 วิธีสามารถใช้คัดเลือกรหัสลักษณะเชิงปริมาณและลักษณะเชิงคุณภาพ



- การผสมกลับ **Back crossing**

ใช้ปรับปรุงลักษณะเชิงคุณภาพเท่านั้น



การคัดเลือกพันธุ์แบบบันทึกประวัติ

Pedigree selection



การคัดพันธุ์แบบบันทึกประวัติ Pedigree selection

- เป็นวิธีคัดเลือกที่มีการบันทึกสายการสืบทอด ของต้นพืชที่ได้รับการคัดเลือก นอกจากนั้นยังบันทึกรายละเอียดต่างๆ เช่นการต้านทานโรค การหักล้ม อายุเก็บเกี่ยว และลักษณะจำเป็นอื่นๆ ที่ใช้ประกอบการตัดสินใจในการคัดเลือก
- วิธีการนี้เหมาะจะใช้ปรับปรุงลักษณะที่มี heritability สูง



วิธีการ

หลังผสมระหว่างพันธุ์พ่อกับพันธุ์แม่ได้ F1

F1- ปลูกให้ได้จำนวนมากๆ เพื่อให้ได้ F2 จำนวนพอเพียง

แม่ P1 X P2 พ่อ

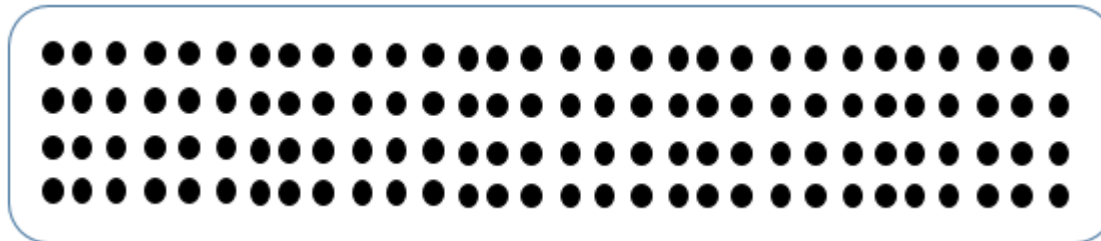


F1 ยังไม่มีการคัดเลือก



ผสมตัวเอง

F2



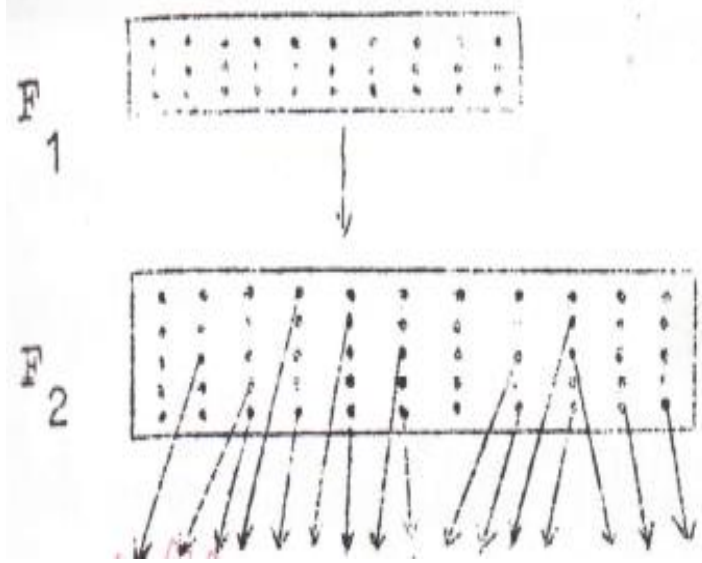
มีความแปรปรวนทางพันธุกรรมสูงสุด



ประชากร F2 มีความแปรปรวนทางพันธุกรรมสูงสุด เริ่มคัดเลือกในขั้นนี้

- เมื่อ F1 ผสมตัวเองได้ F2 ปลูก F2 ให้ได้
จำนวนราว 10 – 20 เท่าของที่จะคัดเลือกไว้
ในนาข้าวปลูก 5,000-10,000 ต้น
- การคัดเลือกต้นที่ดีมีลักษณะตามต้องการไว้
จาก 5,000 ต้นอาจคัดเลือกไว้ 250 ต้น





จำนวนปลูก
 คน ไร่/ปี

50

5000

จำนวนคักไม้
 คน ไร่/ปี

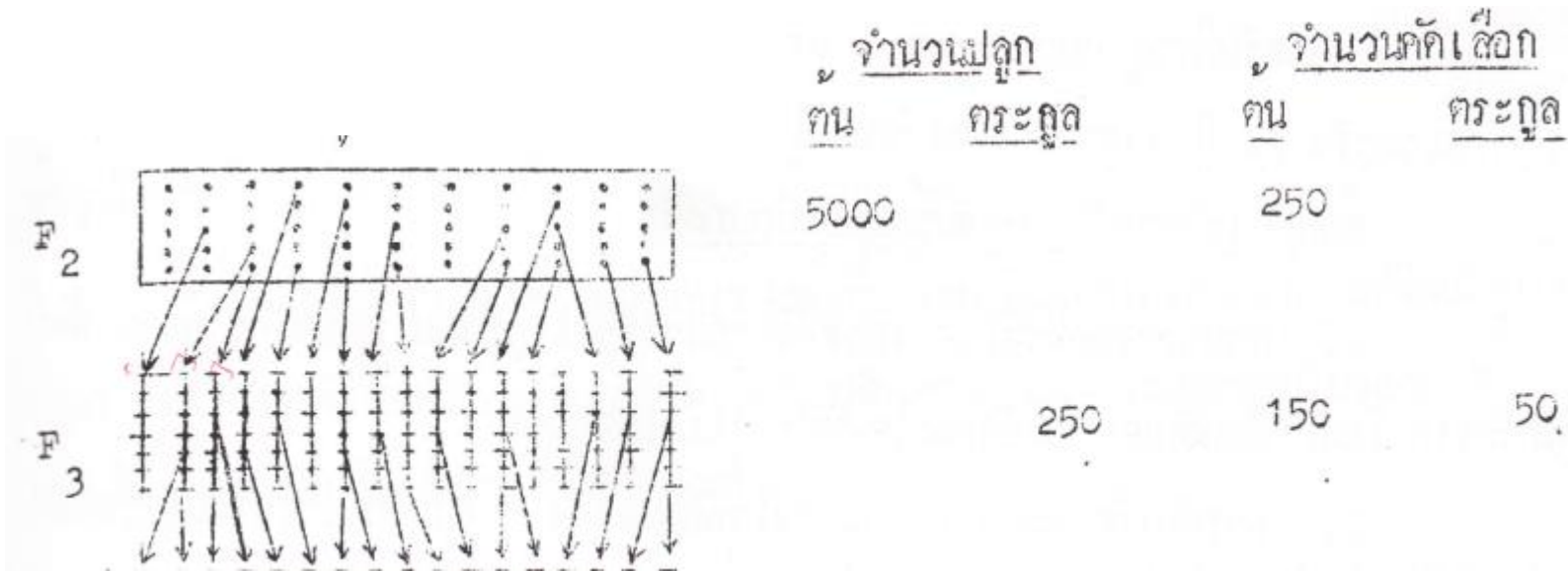
50

250



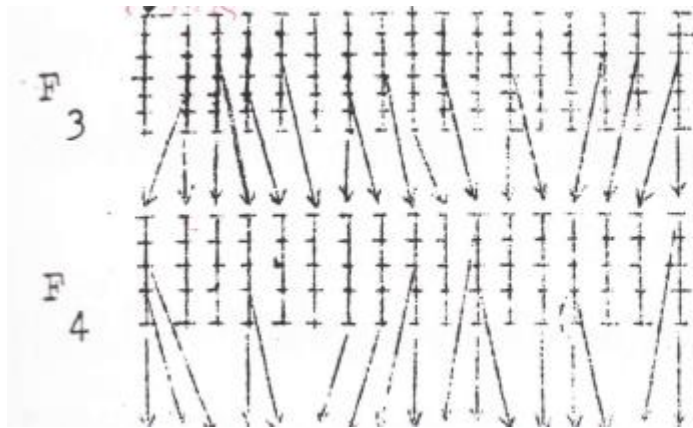
F3

- นำเมล็ดจากต้น F2 ปลูกเป็นต้น F3 แบบต้นต่อแถว ซึ่งต้น F3 หลากๆ ต้นที่มาจากต้น F2 ต้นเดียวกันเรียกว่าอยู่ในตระกูล (family) เดียวกัน ดังนั้นในชั่ว F3 แต่ละแถวคือแต่ละตระกูลนั่นเอง
- การคัดเลือกเลือกเป็นรายต้น โดยเลือก 150 ต้น จากตระกูลต่างๆกัน 50 ตระกูล



F4

- ทำเช่นเดียวกับใน F3 คือปลูกต้นต่อแถว ดังนั้น F4 จึงมี **150** แถว (ตระกุก)
- คัดเลือกให้เหลือ **100** ต้น จาก **40** ตระกุก



จำนวนปลูก		จำนวนคัดเลือก	
คน	ตระกุก	คน	ตระกุก

250

150

50

150

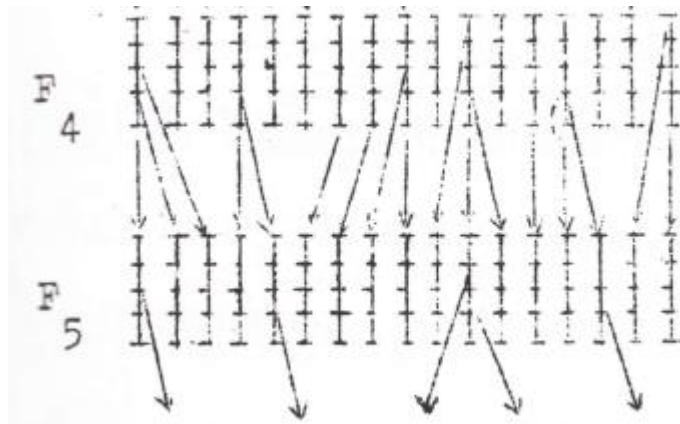
100

40



F5

- ทำเหมือนเดิมคือนำเมล็ดจากต้น F4 มาปลูก เป็นต้น F5 แบบต้นต่อแถว
- คัดเลือกมา 80 ต้นจาก 35 ตระกูล



จำนวนปลูก		จำนวนคัดเลือก	
คน	ตระกูล	คน	ตระกูล

150

100

40

100

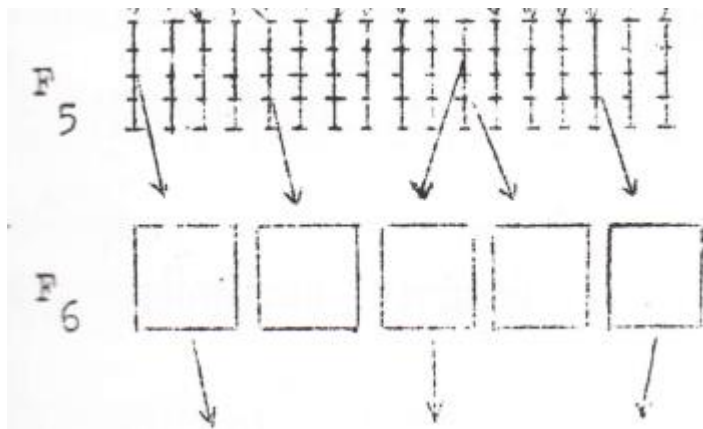
80

35



F6

- ปลุกแบบต้นต่อแถวเหมือนเดิม
- การคัดเลือก ในขั้นนี้พืชแต่ละต้นเป็น homozygous แล้วแต่ละต้นในแถวเดียวกันมีพันธุกรรมเหมือนกันดังนั้นจึงไม่จำเป็นต้องคัดเลือกเป็นรายต้นแต่คัดเลือกเป็นแถว (ตระกูล family) โดยแต่ละแถวจะเรียกเป็น สายพันธุ์ (line) คัดไว้ 15 สายพันธุ์

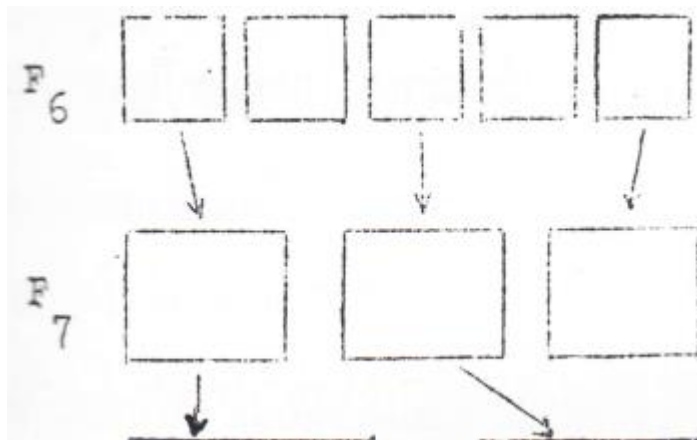


จำนวนปลูก		จำนวนคัดเลือก	
คน	ตระกูล	คน	ตระกูล
	100	80	35
	80		15



F7

- ปลุกทดสอบสายพันธุ์หลายๆซ้ำ ใช้แผนการทดลอง แบบง่ายๆ เช่น Randomize complete block design มีพันธุ์เปรียบเทียบมาตรฐาน การทดสอบนี้เรียกการทดสอบผลผลิตเบื้องต้น
- การคัดเลือกดูจากผลทางสถิติโดยประเมินผลผลิตเป็นหลัก (ลักษณะทางคุณภาพอื่นๆ ได้เลือกไปแล้วจาก F2-F6) คัดไว้เหลือ 4 สายพันธุ์



จำนวนปลูก		จำนวนคัดเลือก	
คน	กระถาง	คน	กระถาง

80

15

15

4



F8-F10

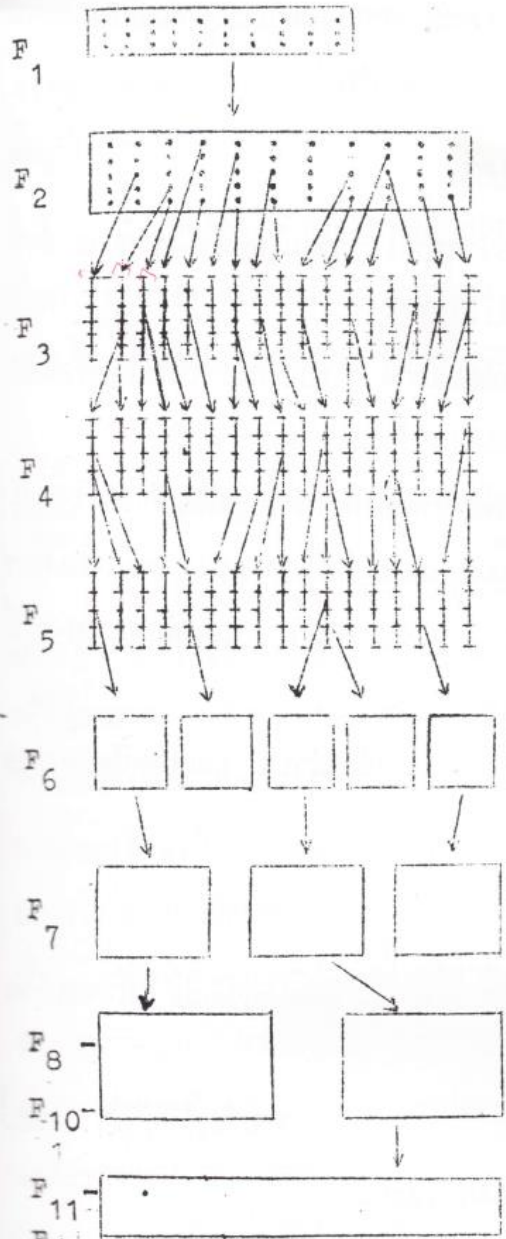
- ทดสอบคล้ายกับ F7 แต่ทดสอบซ้ำๆ ราว 2-3 ปี ในหลายๆห้องที่ เรียกว่าการ ทดสอบหลายสภาพแวดล้อม เปรียบเทียบ กับพันธุ์มาตรฐาน
- คัดเลือกสายพันธุ์ที่ดีจากผลผลิต โดยการ วิเคราะห์ทางสถิติ คัดเลือกไว้ 1 สายพันธุ์



F11-F12

- ปลุกขยายเมล็ด ตั้งชื่อพันธุ์
เข้าสู่กระบวนการรับรอง
พันธุ์ต่อไป





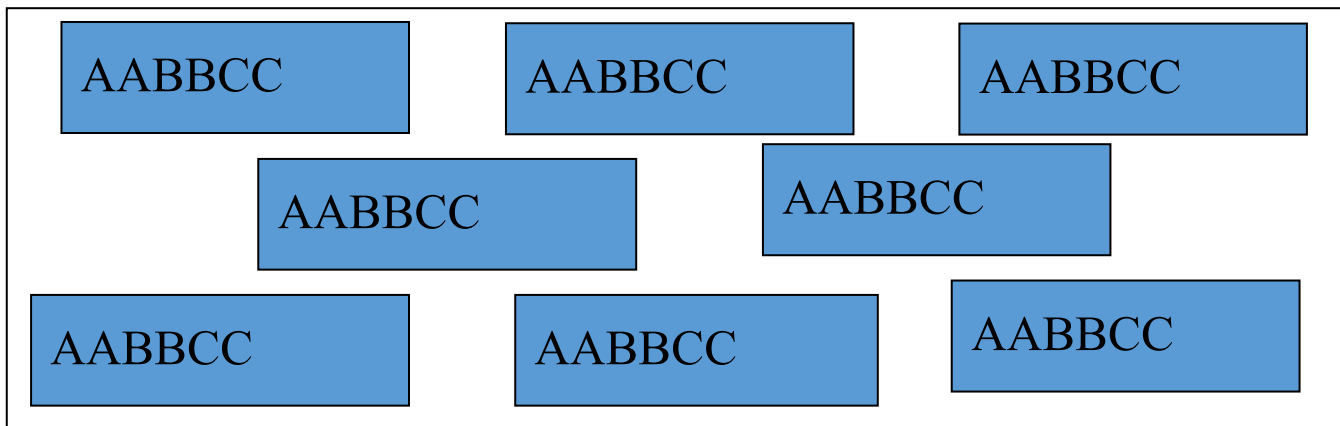
	จำนวนเมล็ด		จำนวนคัสเลือก	
	คน	กระถาง	คน	กระถาง
F1	50		50	
F2	5000		250	
F3		250	150	50
F4		150	100	40
F5		100	80	35
F6		80		15
F7		15		4
F8		4		1
F10				
F11		1		1
F12				



ผลลัพท์ที่ได้จะได้พันธุ์แท้ (Pure line)

ประชากรเป็น homogeneous population คือทุกต้น
ในประชากรมี genotype เหมือนกัน

และต้นมี genotype เป็น Homozygous



ข้อดี

- สามารถขจัดพืชที่ไม่ต้องการทิ้งได้อย่างรวดเร็วในช่วงต้นๆ
- คัดเลือกได้อย่างมีประสิทธิภาพเพราะมีการทำ **progeny test** และมีประวัติพันธุ์ประกอบการตัดสินใจ



ข้อเสีย

- ขจัดพืชบางส่วนออกทิ้งเร็วเกินไปก่อนที่จะเป็น **homozygous** หรือก่อนที่จะมีชุดของยีน (**recombination**) ที่ดี ๆ เกิดขึ้น
- มีงานมากสิ้นเปลืองแรงงาน



ข้อเสีย

มักได้ผลไม่ดีนักถ้าหากลักษณะที่

ต้องการปรับปรุงมี **heritability**
ต่ำ



การคัดเลือกแบบเก็บรวม

Bulk selection



การคัดเลือกแบบเก็บรวม Bulk selection

- คล้ายคลึงกับการคัดเลือกแบบเป็นหมู่ โดยมีการนำเมล็ดที่เก็บเกี่ยวมารวมกันเพื่อปลูกในฤดูถัดไป โดยไม่ต้องมีการบันทึกข้อมูลใดๆ ในช่วงต้นๆ
- มีหลักการที่ปล่อยให้พืชผสมตัวเองไปหลายๆชั่วจนเป็นพันธุ์แท้เสียก่อนแล้วจึงเริ่มคัดเลือก คือเริ่มคัดเลือกในช่วงที่ไม่ต่ำกว่า F5
- สามารถใช้ในการปรับลักษณะที่มี heritability ไม่สูงมากนักได้



วิธีการ

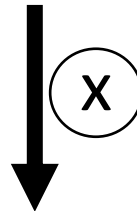
หลังผสมระหว่างพันธุ์พ่อกับพันธุ์แม่ได้ F1

F1- ปลุกให้ได้จำนวนมากๆ เพื่อให้ได้ F2 จำนวนพอเพียง

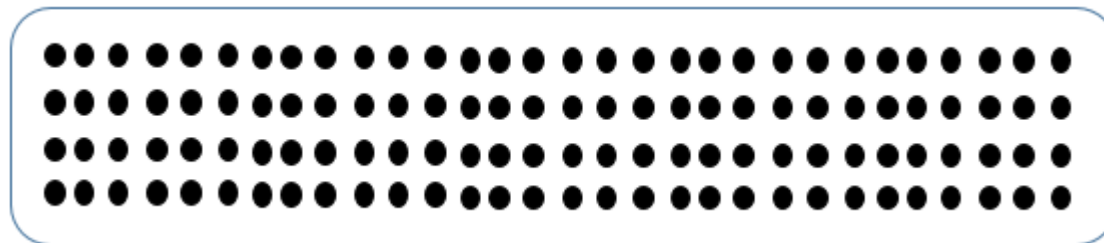
แม่ P1 X P2 พ่อ



F1



F2



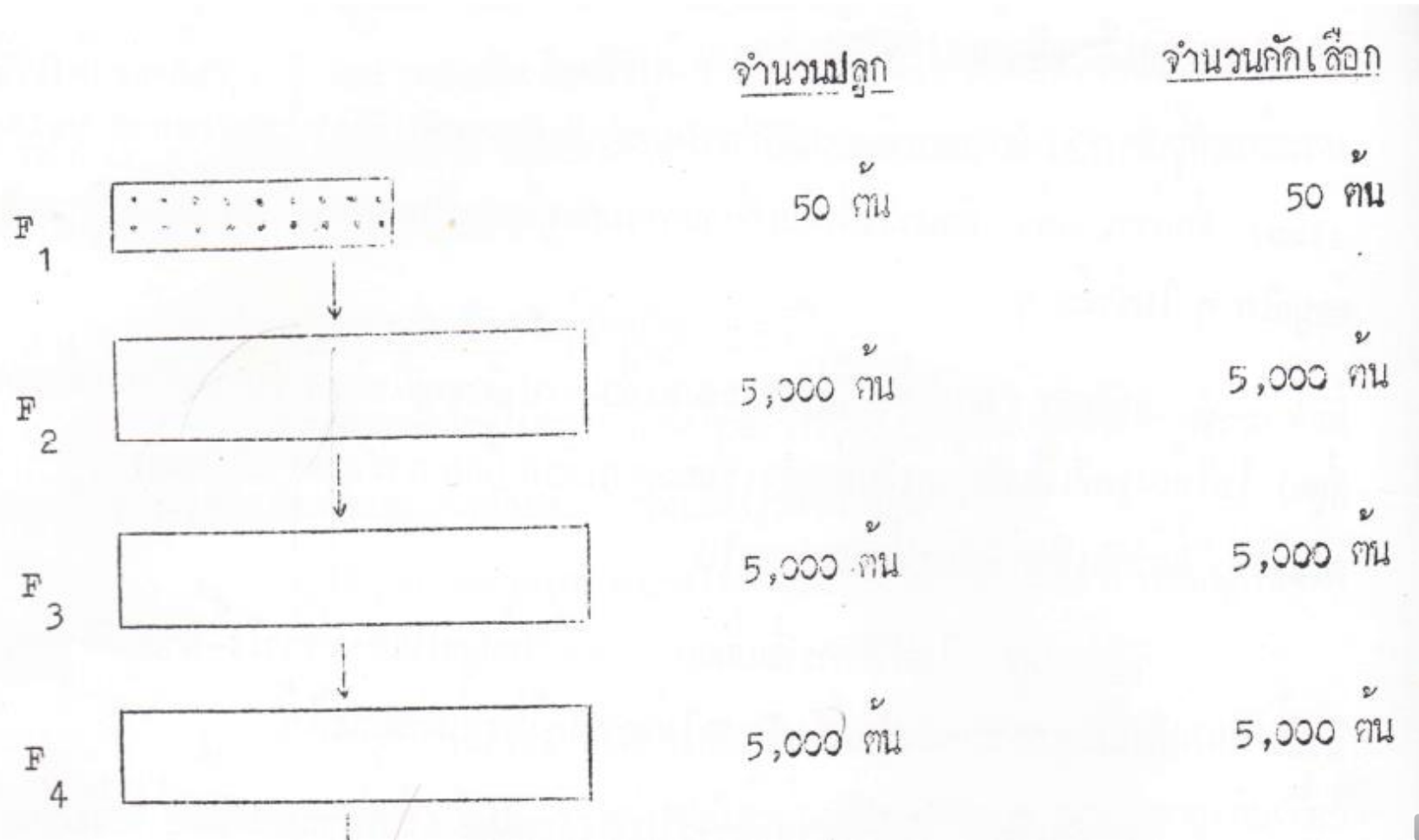
- ในช่วง F2 – F4 นี้แม้นักปรับปรุงพันธุ์จะไม่ได้เข้าไปคัดเลือกโดยตรง แต่ก็ปล่อยให้มีการคัดเลือกโดยธรรมชาติ (Natural selection) ตามสภาพแวดล้อมที่ปลูก

- แต่หากมีวัตถุประสงค์เฉพาะอย่างอื่น เช่นต้องการพันธุ์ต้านทานโรค พันธุ์ทนแล้ง นักปรับปรุงพันธุ์ก็ต้องสร้างสภาพแวดล้อมเทียมขึ้น เช่นงดให้น้ำจำลองสภาพทนแล้ง พันธุ์เชื้อโรคให้เกิดโรคระบาด เป็นต้น



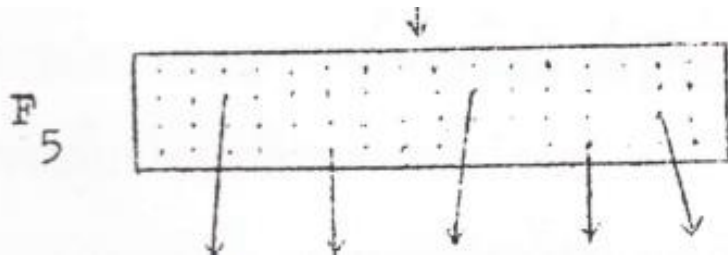
ช่วง F2 ถึง F4

ปลูกเป็นแปลงใหญ่เก็บเกี่ยวเมล็ดปนกัน แต่นำไปปลูกให้
มีจำนวนต้นเท่าๆ กันทุกปี (5,000 ต้น)



ในช่ว F5

จะมีการเข้าไปคัดเลือกรายต้น โดยเลือกลักษณะทาง
คุณภาพ เป็นหลัก คัดให้ได้ 250 ต้นจาก 5,000
ต้น



จำนวนปลูก

5,000 ต้น

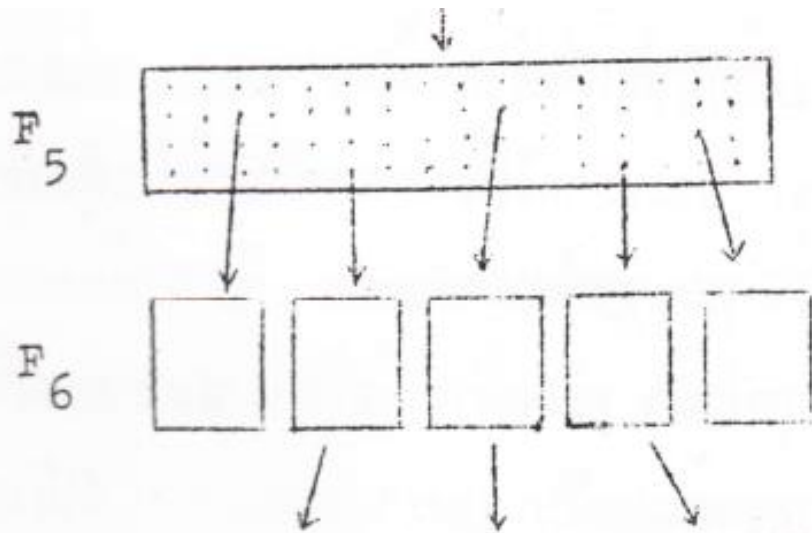
จำนวนคัดเลือก

250 ต้น



F6

นำเมล็ดจาก F5 มาปลูกเป็นต้น F6 แบบต้นต่อแถว
ดังนั้น F6 จึงมี 250 แถว แต่ละแถวเรียกว่าสายพันธุ์
(line) แล้วคัดเลือกให้เหลือ 15 สายพันธุ์

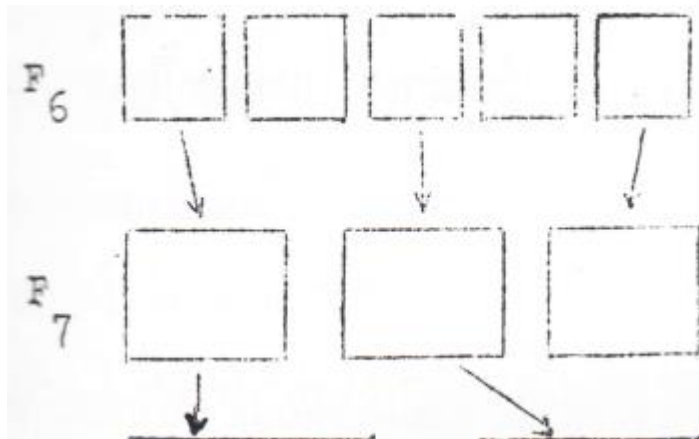


<u>จำนวนปลูก</u>	<u>จำนวนคัดเลือก</u>
5,000 คน	250 คน
250 สายพันธุ์	15 สายพันธุ์



F7

- ปลุกทดสอบสายพันธุ์หลายๆซ้ำ ใช้แผนการทดลอง แบบง่ายๆ เช่น **Randomize complete block design** มีพันธุ์เปรียบเทียบมาตรฐาน คัดเลือกไว้ **4** สายพันธุ์



จำนวนปลูก		จำนวนคัดเลือก	
คน	กระถาง	คน	กระถาง

80

15

15

4



F8-F10

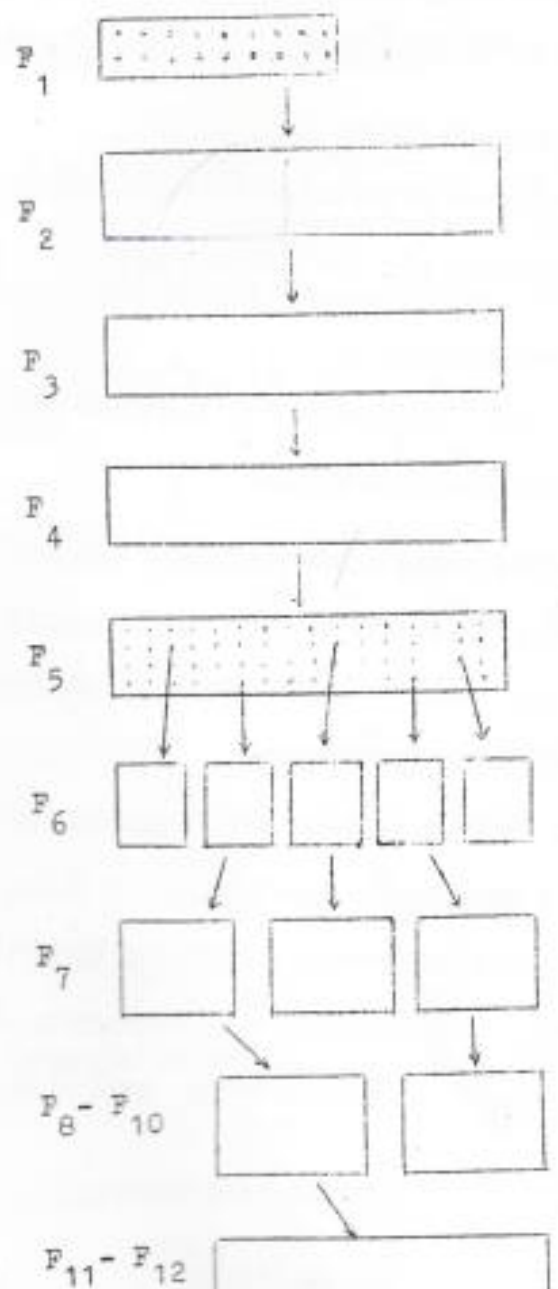
- ทดสอบคล้ายกับ **F7** แต่ทดสอบซ้ำๆ ราว **2-3** ปี ในหลายๆห้องที่ เรียกว่าการทดสอบหลายสภาพแวดล้อม เปรียบเทียบกับพันธุ์มาตรฐาน
- คัดเลือกสายพันธุ์ที่ดีจากผลผลิตโดยการวิเคราะห์ทางสถิติ คัดเลือกไว้ **1** สายพันธุ์



F11-F12

- ปลุกขยายเมล็ด ตั้งชื่อพันธุ์
เข้าสู่กระบวนการรับรอง
พันธุ์ต่อไป





จำนวนลูก

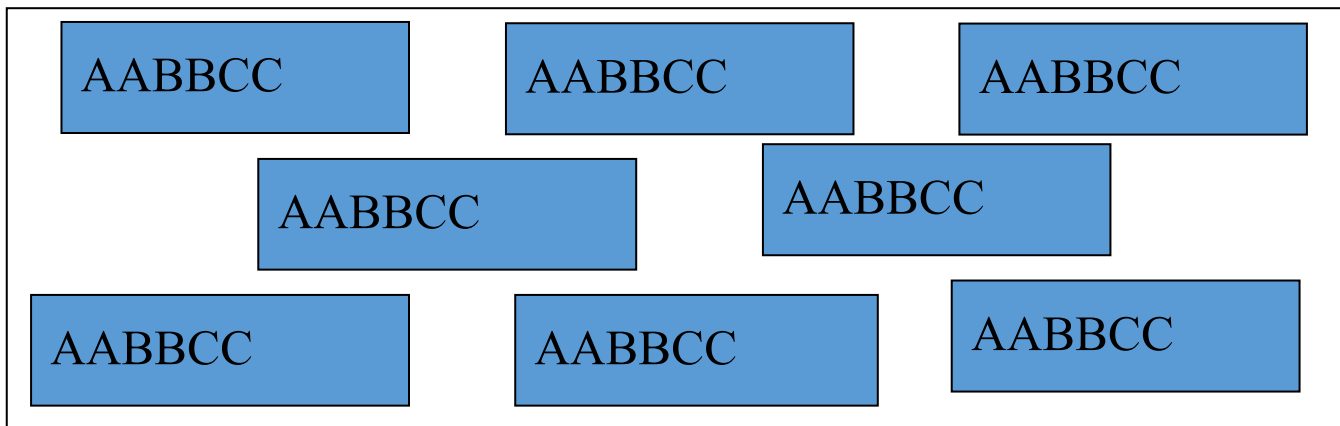
จำนวนกักเลือก

	<u>จำนวนลูก</u>	<u>จำนวนกักเลือก</u>
P ₁	50 กก	50 กก
P ₂	5,000 กก	5,000 กก
P ₃	5,000 กก	5,000 กก
P ₄	5,000 กก	5,000 กก
P ₅	5,000 กก	250 กก
P ₆	250 สายพันธุ์	15 สายพันธุ์
P ₇	15 สายพันธุ์	4 สายพันธุ์
P ₈ - P ₁₀	4 สายพันธุ์	1 พันธุ์
P ₁₁ - P ₁₂	1 พันธุ์	1 พันธุ์

ผลลัพท์ที่ได้จะได้พันธุ์แท้ (Pure line)

ประชากรเป็น homogeneous population คือทุกต้น
ในประชากรมี genotype เหมือนกัน

และต้นมี genotype เป็น Homozygous



ข้อดี

- ง่าย มีงานน้อยไม่ต้องบันทึกประวัติ
- มี **genotype** ต่างๆ เข้าสู่การคัดเลือกได้มาก



ข้อเสีย

- สายพันธุ์ที่อยู่รอดเพื่อการคัดเลือกในชั่วหลังๆ อาจไม่ใช่พันธุ์ที่ต้องการ เพราะในชั่วแรกๆ เป็นการคัดเลือกโดยธรรมชาติ ไม่ใช่การคัดเลือกโดยนักปรับปรุงพันธุ์





ขอขอบคุณ
ครับ

